

## 【研究概要】

本研究では、新型コロナウイルス感染症症例、無症候性感染者及び新型コロナウイルス感染症が疑われる症例の全ゲノムシーケンス、RNA シーケンス、超高精度 HLA 解析などを通して、重症化予測法システムの構築を行うことを目的とする。新型コロナウイルス感染症患者、無症候性感染者及び新型コロナウイルス感染症が疑われる患者を対象とした遺伝子解析により得られたゲノム情報により新型コロナウイルス感染症患者の重症化因子の検討を行う、症例対象研究である。